

## 罹患乳腺癌风险与微生物不平衡相关

李汝琴

武汉美捷登生物科技有限公司

在最近发表的一项研究中，Cleveland 诊所的研究员发现罹患乳腺癌的女性乳腺组织的微生物与正常女性乳腺组织微生物相比有一定差异，而正常的乳腺组织中微生物的种类更多，这项研究成果可能为乳腺癌的治疗提供了一个新思路。

生活在人体内的微生物我们称之为肠道菌群，肠道菌群与许多疾病相关。关于肠道菌群的研究很多，且大部分都是研究的消化道细菌，研究人员一直都怀疑乳腺组织中存在微生物，并且与罹患乳腺癌风险相关，但是一直都未得到证实。而这项研究发现

了乳腺癌组织和健康乳腺组织中微生物存在差异，由此迈出了乳腺癌与微生物相关研究的第一步。

该文章的作者 Charis Eng 博士说：“据我所知，这是第一项关于乳腺癌患者乳腺组织中微生物差异的研究，我们希望能找到一种生物标记物能够帮助快速、简单地诊断乳腺癌，我们还设想，或许我们可以根据微生物组学利用益生菌或者是抗生素来预防乳腺癌。”

2017 年 10 月 5 号发表在 *Oncotarget* 上的一项研究检测了 78 例接受乳腺癌根治术或乳腺整形术的乳腺组织，此外还检测了病

例的口腔冲洗液和尿液，以确定这些组织中的细菌组成。

研究结果发现癌症患者的尿液中革兰氏阳性菌水平偏高，其中包括葡萄球菌和放线菌，这些微生物在乳腺癌中发挥的作用需要进一步研究。

该文章的作者 Stephen Grobmyer 认为：“如果我们能找到亲肿瘤的特异性靶细菌群，我们或许能通过改变肿瘤的环境抑制肿瘤，并且提高现在的治疗技术。这还需要更多的研究，但是目前的研究结果是研究乳腺癌与细菌平衡之间关系的第一步。”

### 参考文献

- [1] Wang H, Altemus J, Niazi F, Green H, Calhoun BC, Sturgis C, Grobmyer SR, Eng C. Breast tissue, oral and urinary microbiomes in breast cancer. *Oncotarget*. 2017;8:88122–88138. DOI:10.18632/oncotarget.21490.

